

СВЕДЕНИЯ

о ведущей организации по диссертации Скапцова Михаила Викторовича на тему: «Соматональная изменчивость *Rumex acetosa* L. и *Inula britannica* L. в культуре *in vitro*» на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.02.07 – «Генетика».

| | |
|---|---|
| Полное наименование организации: | Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова Российской академии наук |
| Сокращенное наименование организации: | ИОГен РАН |
| Место нахождения: | г. Москва, ул.Губкина, д.3 |
| Почтовый адрес с индексом: | 119991, ГСП-1 Москва, ул.Губкина, д.3 |
| Телефон: | (499) 135-62-13 |
| e-mail: | iogen@vigg.ru |
| Адрес официального сайта в сети «Интернет» (при наличии): | vigg.ru |

Основные работы, опубликованные работниками ведущей организации по теме диссертации в рецензируемых научных журналах за последние 5 лет (не более 15 публикаций).

1. Odintsova TI et al. Defensin-like peptides in wheat analyzed by whole-transcriptome sequencing: a focus on structural diversity and role in induced resistance // PEERJ – 2019 – 7 - e6125 - 10.7717/peerj.6125
2. Abdeeva IA et al. RNA-aptamers-As targeted inhibitors of protein functions in plants // JOURNAL OF PLANT PHYSIOLOGY – 2019 – 232 – 127-129
3. Ruban AS, Badaeva ED. Evolution of the S-Genomes in Triticum-Aegilops Alliance: Evidences From Chromosome Analysis // FRONTIERS IN PLANT SCIENCE – 2018 – v. 9 – 1756
4. Metakousky E et al. A catalog of gliadin alleles: Polymorphism of 20th-century common wheat germplasm // CROP JOURNAL – 2018 – v. 6 - №3 – p. 628-641
5. Хадеева Н.В. и др. Молекулярно-генетический анализ длительно пассируемой коллекции трансгенных растений табака с геном ингибитора сериновых протеиназ гречихи // Генетика – 2017 – Т53 – №11 – С.1285-96.

6. Novoselskaya-Dragovich AY et al. Analysis of genetic diversity and evolutionary relationships among hexaploid wheats *Triticum* L. using LTR-retrotransposon-based molecular markers // GENETIC RESOURCES AND CROP EVOLUTION – 2018 – v. 65 - №1 – P.187-198
7. Sheshukova EV et al. An Alternative Nested Reading Frame May Participate in the Stress-Dependent Expression of a Plant Gene // FRONTIERS IN PLANT SCIENCE – 2017 – v. 8 - №2137
8. Savelyeva E et al. Retrotransposon-based sequence-specific amplified polymorphism markers for the analysis of genetic diversity and phylogeny in *Malus* Mill. (Rosaceae) // GENETIC RESOURCES AND CROP EVOLUTION - 2017 – v.64 - № 7 – p.1499-1511
9. Tikhenko N et al. The changes in the reproductive barrier between hexaploid wheat (*Triticum aestivum* L.) and rye (*Secale cereale* L.): different states lead to different fates // PLANTA - 2017 – v. 246 - № 3 – p.377-388
10. Tikhenko N et al. Embryo lethality in wheat-rye hybrids: dosage effect and deletion bin mapping of the responsible wheat locus // BIOLOGIA PLANTARUM - 2017 – v.61 - №2 – p.342-348
11. Tatarinova TV et al., Nucleotide diversity analysis highlights functionally important genomic regions // SCIENTIFIC REPORTS – 2016 – v.6 - №35730
12. Badaeva ED et al. Molecular cytogenetic characterization of *Triticum timopheevii* chromosomes provides new insight on genome evolution of *T-zhukovskyi* // PLANT SYSTEMATICS AND EVOLUTION - 2016 – v. 302 - № 8 – p.943-956
13. Landjeva S et al. Genetic diversity of old bread wheat germplasm from the Black Sea region evaluated by microsatellites and agronomic traits // PLANT GENETIC RESOURCES-CHARACTERIZATION AND UTILIZATION - 2015 – v.13 - №2 – p.119-130
14. Tikhenko N et al. Hybrid dwarfness in crosses between wheat (*Triticum aestivum* L.) and rye (*Secale cereale* L.): a new look at an old phenomenon // PLANT BIOLOGY – 2015 – v.17 - №2 – p.320-326
15. Dobrovolskaya O et al. FRIZZY PANICLE Drives Supernumerary Spikelets in Bread Wheat // PLANT PHYSIOLOGY - 2015 – v.167 - №1 – p.189-199

Директор ИОГен РАН, д.б.н.


